

Db 662 tttaggtggtggaagggcctgctccctcacagcaggtggtgctcaaggaggtgctgc 721
Qy 535 ttcttaacctgaggtgcttaccctgctgctcagcagcctccgctcaacctgctgctc 594
Db 722 ttcttaacctgaggtgcttaccctgctgctcagcagcctccgctcaacctgctc 781
Qy 595 gtgcaacctggtgctgcaacctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgct 654
Db 782 gtgcaacctggtgctgcaacctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgct 841
Qy 655 ctggcagcagcaacctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgct 714
Db 842 ctoatgattgacagtgcattgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgct 901
Qy 715 cactgctgctgattgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgct 774
Db 902 caacctactatgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgct 961
Qy 775 ctcaagcctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgct 834
Db 962 agtctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgct 1021
Qy 835 cggggcctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgct 894
Db 1022 cgagcctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgct 1081
Qy 895 cagctcagcctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgct 954
Db 1082 catcttcagacctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgct 1135
Qy 955 gcttccatactgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgct 1014
Db 1136 gcttccacacaaagcaggtgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgct 1195
Qy 1015 ccttcaactaagctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgct 1074
Db 1196 cctatgaaaaggttctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgct 1255
Qy 1075 taccgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgct 1128
Db 1256 taccgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgct 1309

RESULT 2
US-08-899-514-1
Sequence 1, Application US/08899514
Patent No. 5910591
GENERAL INFORMATION:
APPLICANT: HABUCHI, OSAMI
APPLICANT: FUKUCHI, MASAKAZU
TITLE OF INVENTION: POLYPEPTIDE OF GLYCOSAMINOGLYCAN
TITLE OF INVENTION: SULFOTRANSFERASE ORIGINATING FROM HUMAN AND DNA CODING
TITLE OF INVENTION: FOR THE POLYPEPTIDE
NUMBER OF SEQUENCES: 9
CORRESPONDENCE ADDRESS:
ADDRESS: KNOBBE, MARTENS, OLSON & BEAR, LLP
STREET: 620 NEWPORT CENTER DRIVE, SIXTEENTH FLOOR
CITY: NEWPORT BEACH
STATE: CALIFORNIA
COUNTRY: US
ZIP: 92660
COMPUTER READABLE FORM:
MEDIUM TYPE: Floppy disk
COMPUTER: IBM PC compatible
OPERATING SYSTEM: PC-DOS/MS-DOS
SOFTWARE: PatentIn
CURRENT APPLICATION DATA:
APPLICATION NUMBER: US/08/899,514
FILING DATE: 435
CLASSIFICATION: 435
PRIOR APPLICATION DATA:
APPLICATION NUMBER:

ssua dte 6/8/99

FILING DATE:
ATTORNEY/AGENT INFORMATION:
NAME: DANIEL E ALTMAN
REGISTRATION NUMBER: 34,115
REFERENCE/DOCKET NUMBER: TOYAM21.001AUS
TELECOMMUNICATION INFORMATION:
TELEPHONE: 714 760 0404
TELEFAX: 714 760 9502
INFORMATION FOR SEQ ID NO: 1:
SEQUENCE CHARACTERISTICS:
LENGTH: 2156
TYPE: nucleic acid
STRANDEDNESS: both
TOPOLOGY: linear
MOLECULE TYPE: cDNA
ORIGINAL SOURCE:
ORGANISM: Human
TISSUE TYPE: Fetal brain
FEATURE:
NAME/KEY: CDS
LOCATION: 147..1583
IDENTIFICATION METHOD: S
US-08-899-514-1

Query Match 20.1%; Score 235.2; DB 2; Length 2156;
Best Local Similarity 54.0%; Pred. No. 8.8e-41;
Matches 599; Conservative 0; Mismatches 468; Indels 33; Gaps 4;
Qy 91 gggcctcattcccccagcggcgaggatggtgcaagtgtgctgctgctgctgctgctg 150
Db 510 GAGCCGCCACAGACGGCGCGGGCGCGCCGCCGACGCTGCTGCTGATGGCCACACG 569
Qy 151 cgtcgtgggtcattcctcttctggcagctcttccagccaccccgacgtctcttaccctg 210
Db 570 CGACCGGCTCTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 629
Qy 211 atggagcccgctggtgcatgtgtggaacacccctgtc-----gagggcagcgcg 258
Db 630 TTCGAGCGCTGTGGCAGATCGAGCGCACAGTGTCTTCAGCGCGGGGGCGCGCACGCC 689
Qy 259 gcaacgtgcacatgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgct 318
Db 590 CGGGCTCGGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 749
Qy 319 gtgttggatgcttaca-----tgccacagagcgaacacccctgtccgcttttcaaac 369
Db 750 GTGCTGGAGCATTTCATCACCGCGCTGCCGAGGACACACCTGACTCAGTTTCATGTTCCGC 809
Qy 370 tgggcaacgagcggcgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgct 429
Db 810 CGGGCTCGGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 869
Qy 430 atcagcaagcagcagctgtatgaagacactgtgacgctgctgctgctgctgctgctgctgct 489
Db 870 TTCGAGAAGTACCACCTGCAAGAACCGCGCTGCGGCCCTCAACGTCAGCTGCGCGCA 929
Qy 490 gaggcctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgct 549
Db 930 GAGGCTGCGCGCAAGGAGCAGATGGCCCTCAAGCGGTGGCATCCCGGCTGCGAG 989
Qy 550 gtgtctaccctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgct 609
Db 990 TTCCTGAGCGCTGCGGAGGACCCCGCTGGACCTGCGGCTCATCCAGTGTGCTGCTGCTG 1049
Qy 610 gaccgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgct 669
Db 1050 GACCCCGGGCGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1109
Qy 670 ggcctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgct 729
Db 1110 AAGAGTGGCTGGAGCAGGAGGCGCTGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGG 1169

6/8/99

Query Match	16.9%;	Score 196.8;	DB 1;	Length 2354;
Best Local Similarity	52.4%;	Pred. No. 8.9e+33;		
Matches 575;	Conservative 0;	Mismatches 487;	Indels 36;	Gaps
QY	52	cagaccacactgctcctctgcttcttcacatctcccgccagggccctcatcccccagccgcg	111	
Db	475	ctgagagacgcggctggccacacgtacaccttgacattggctggcgagctgggcacatagcagcc	534	
QY	112	ggcggaggatcgtgtgcaactgctgtgctgctctctgctggcgctcgggctcattccctcttg	171	
Db	535	ccagagccggcgggcgcatgctctgctgatggccacacacagccacggccttctcttcgtt	594	
QY	172	ggccagctcttcagccagcccccagctctcttcaactgatggagccgcgtggcattgtg	231	
Db	595	ggggagttcttcaacacagcagggcacatatctacctctttgagccccctgtggcacatc	654	
QY	232	tgagcacaccttc-----gaaggcagcggcggaacgctgcacatggccgtg	279	
Db	655	gaagagacggctcacatttgacccagggggggccacaggcggtgggctcgccctgtgtac	714	
QY	280	cgcacactgatcgctctctcttttttggcacatggagctgttttgatgcctaacatgcc	339	
Db	715	cggcagctgctgcagcagcttctctcttcgcgacctctacattctcgagagcttcatctca	774	
QY	340	cagagccgaaacctgtccc-----gcctttttcaactggcgcaacgagccgcgcgtg	390	